



開かれた未来へ。

筑波大学

University of Tsukuba

研究成果公開のグローバルスタンダードに向けた筑波大学の取り組み

森本 行人

筑波大学 URA研究戦略推進室

IMAGINE
THE
FUTURE.

第2回 SPARC Japan セミナー2020
2020年12月18日

【アウトライン】

- 背景
- 人文社会系分野の研究成果指標としてのiMD
- 筑波大学ゲートウェイ
- おわりに



開かれた未来へ。

筑波大学
University of Tsukuba

背景

IMAGINE
THE
FUTURE.

【世界大学ランキングの評価項目】

- 世界大学ランキングの評価項目の中に論文の被引用数にもとづく評価項目がある
 - ・THE (The Times Higher Education)
 - ・QS (Quacquarelli Symonds)
- Scopus等の論文・引用データベースがもととなっている
 - ・収録誌の多くは英語論文
 - ・それ以外の言語で書かれた論文についてはほとんど収録されていない

【現在用いられている評価指標】

- Impact Factor (IF)
 - ・1論文あたりの平均被引用数に相当
- Scimago Journal Rank (SJR)
 - ・名声のあるジャーナルからの引用が下位のジャーナルからの引用よりも重み付けされる
- Eigenfactor
 - ・学術相互関係や雑誌の相対的影響を考慮に入れる
- これらは引用という側面から出発した指標
 - ・引用という行為にポジティブな評価を認めるという前提については分野によって温度差がある

【人文社会分野の学術誌】

- 論文・引用データベースに収録されにくい
 - ・論文が日本語で書かれている
 - ・稿末に引用文献一覧を付けない論文も少なくない
- 引用数の集計がしにくい
- 従来の評価指標では見えにくく、評価の対象になってこなかった

【筑波大学の取り組み】

- 新たな研究評価指標の開発に着手
 - ・論文・引用データベースに収録されていない学術誌も含め、分野や使用言語に関係なく算出できる指標
- iMD (index for Measuring Diversity) の提案
- 筑波大学ゲートウェイ



開かれた未来へ。

筑波大学

University of Tsukuba

人文社会系分野の研究成果 指標としてのiMD

IMAGINE
THE
FUTURE.

【iMD®の考え方】

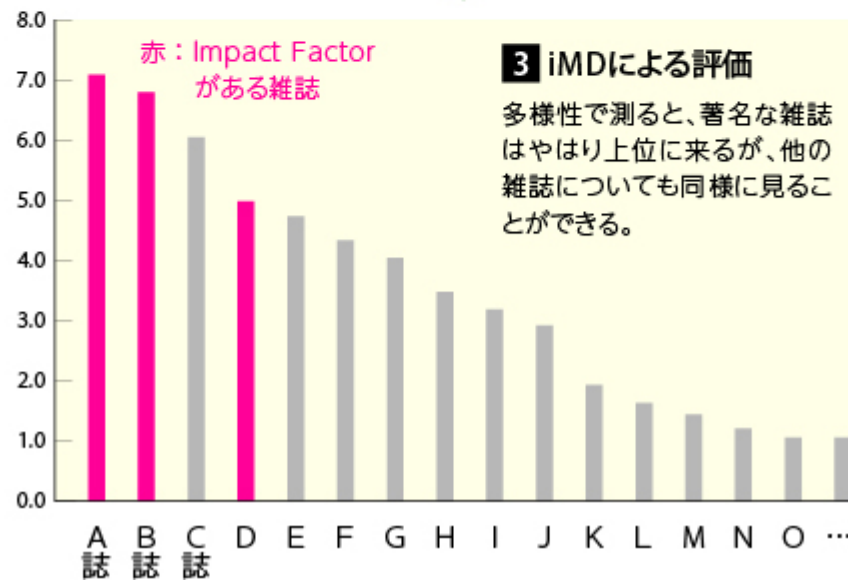
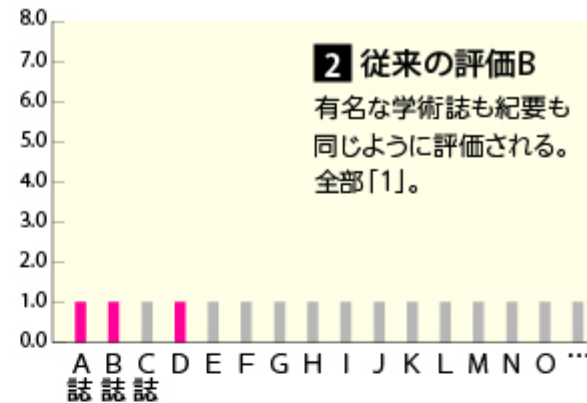
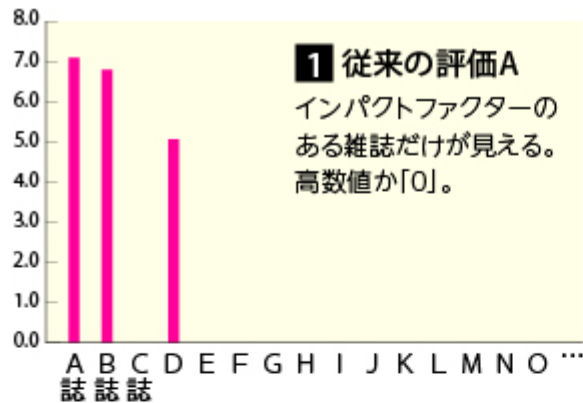
- 「学内紀要＜全国学会誌＜国際学会誌」という評価には、一般論として、多くの研究者の同意が得られる
- これを定量化するには？
 - ・学術誌の著者所属機関の多様性を定量化
- 質は定量化できない。
 - ・IFも質ではなく話題性を定量化
 - ・iMDも質ではなく多様性を定量化

- 学術誌を著者所属の多様性の観点から定量化する指標
- 計算式

$$\log_n (\alpha \times C + \beta \times A)$$

- C: 所属機関の国数
- A: 所属機関数
- α と β は C と A の重み付け係数

* 特願2017-138751 「評価システム、評価方法及びプログラム」



iMD: index for Measuring Diversity

特願2017-138751

8.00

7.00

6.00

5.00

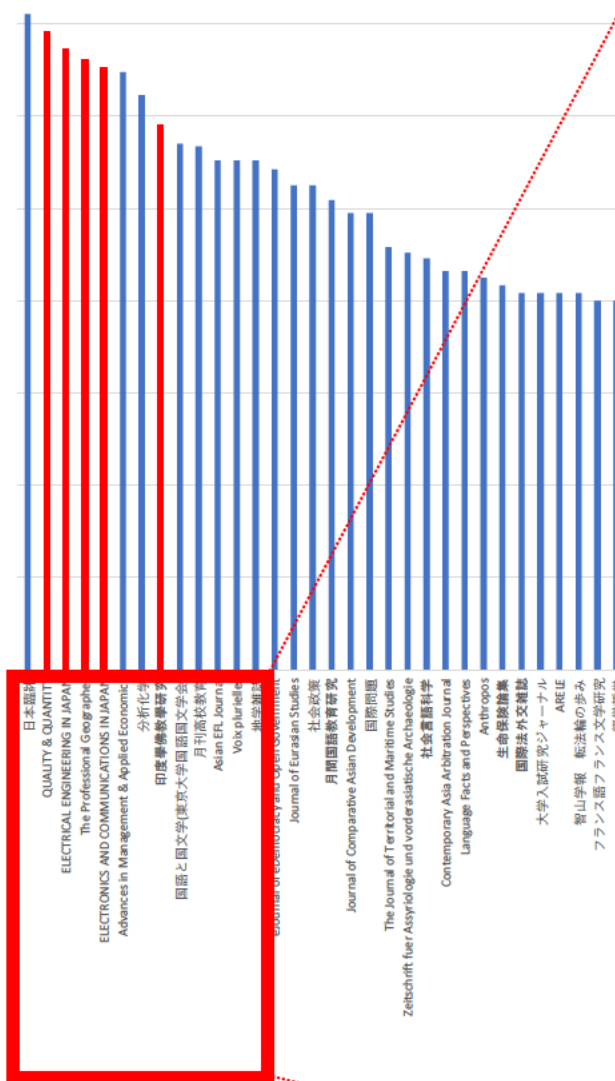
4.00

3.00

2.00

1.00

0.00



日本臨牀

QUALITY & QUANTITY

ELECTRICAL ENGINEERING IN JAPAN

The Professional Geographer

ELECTRONICS AND COMMUNICATIONS IN JAPAN

Advances in Management & Applied Economics

分析化学

印度學佛教學研究

国語と国文学(東京大学国語国文学会)

月刊高校教育

Asian EFL Journal

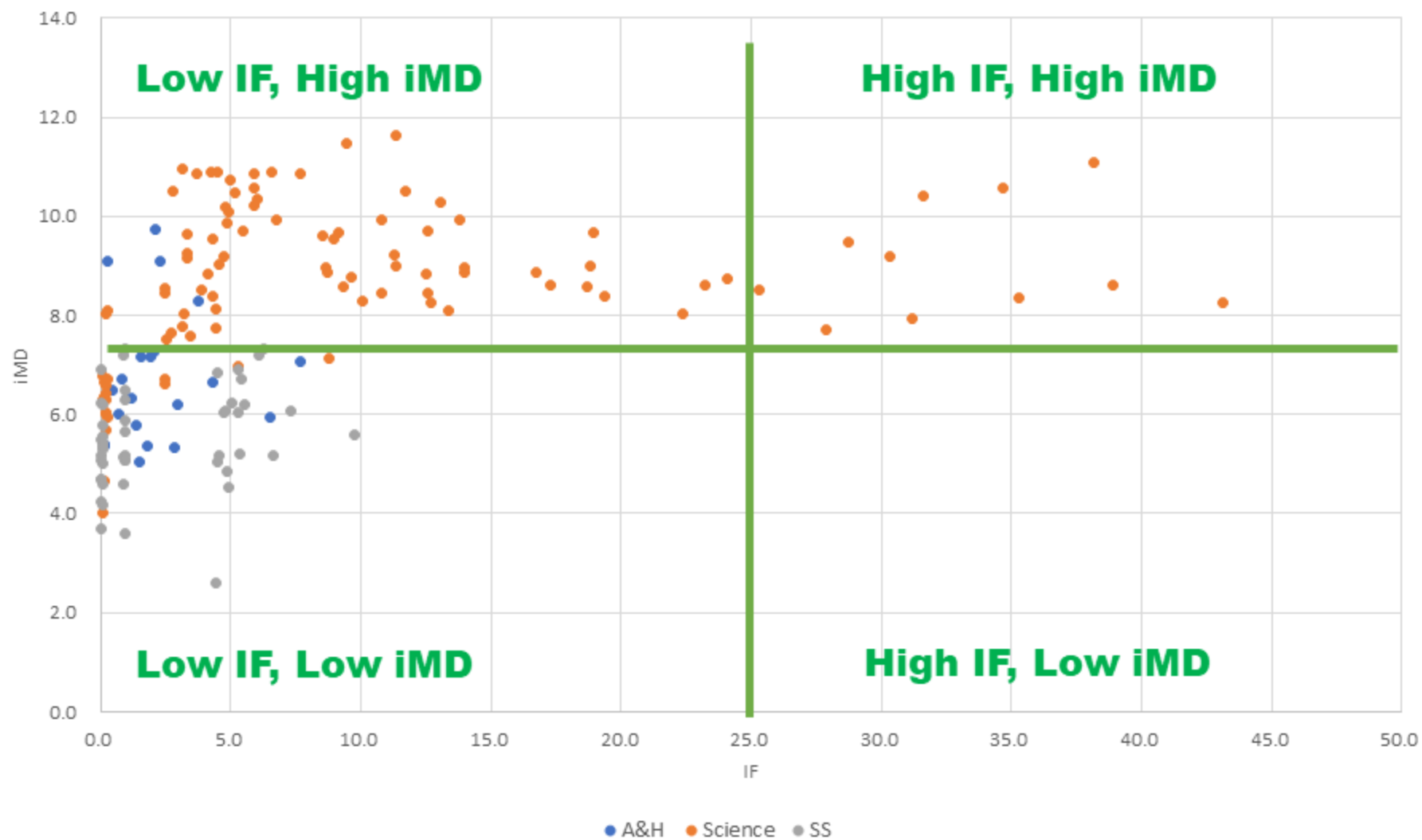
Voix plurielles

地学雑誌

誌

論議現代語・現代文化
文藝思想研究(書簡)
比較法学
Tsukuba Journal of Law and Politics (筑波法政)

IF vs iMD (2015)





開かれた未来へ。

筑波大学

University of Tsukuba



筑波大学ゲートウェイ

<https://ura.sec.tsukuba.ac.jp/utgateway>

F1000Research / Gateways

HOW TO PUBLISH ▾ ABOUT F1000RESEARCH ▾ MY RESEARCH ▾ SIGN OUT

筑波大学
University of Tsukuba

SUBMIT TO THIS GATEWAY

BROWSE CONTENT

UTURE

University of Tsukuba

Revolutionising how the results of research in Japan are disseminated

Japan's first gateway for publishing research rapidly, openly and transparently

This gateway makes it simple for authors affiliated with the University of Tsukuba to publish any research or data they wish to share rapidly, openly and transparently. It covers all fields such as the physical, biological, medical, and social sciences, arts and humanities, in all forms, from traditional research articles to

LATEST ARTICLES

f

IMAGINE
THE
FUTURE.

【導入の経緯】

- F1000 Research社から提案
- 「研究と学問、そして言語には壁があってはならない」という理念を共有できた
- 日本と世界の学術情報コミュニケーションに一石を投じたいと考えた

【検討・議論】

- ローレンス氏が2度来日し、副学長（研究担当）、人文社会系長、学長補佐室長、URAが直接説明を受けた。
- 副学長（研究担当）が学内で希望調査をしたところ、一定のニーズのあることが分かった。
- 上記の踏まえ、最終的には学長が決断し、学内で説明会を実施した。

【困難だった点】

- 文系にとってはAPCが高額→人文社会系が独自の投稿料支援プログラムを用意した。全学的支援も検討中。
- 国内に代理店がなかったため、契約手続きに手間と時間がかかった

【F1000 Research】

現在の主流な査読モデル

投稿→非公開査読→出版（著作権は出版社、引用可）→有料購読

F1000 Researchモデル：

投稿→出版（著作権は著者、引用可）→無料閲覧→公開査読

ほかのモデル（いずれも伝統的モデルに依存）：

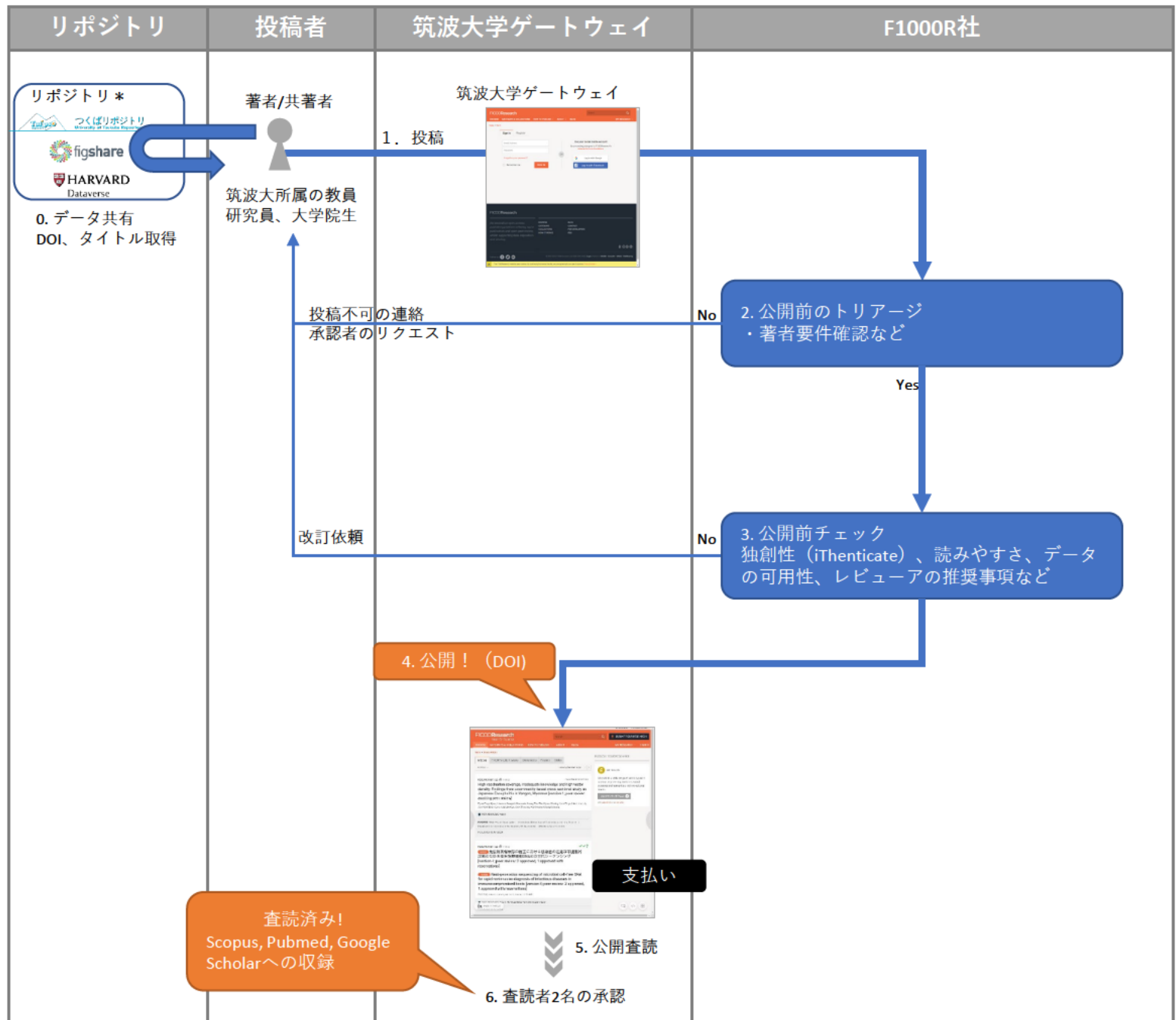
オープンアクセスジャーナルモデル：伝統的モデル+無料閲覧

ハイブリッドモデル：伝統的モデル+出版時に有料購読か無料閲覧かを選択

プレプリントモデル：出版前自主公開 →無料閲覧（+伝統的モデル）

リポジトリモデル：伝統的モデル+出版後自主公開（別DOIで引用）→無料閲覧

投稿の流れ



1. 投稿

- 少なくとも共著者の中に筑波大学の教員が入っていれば投稿可
- 全分野＝英語
- 人文社会系分野＝英語だけでなく日本語でも投稿可

About the Article

Article Type *

- | | | |
|---|---|---|
| ☐ Research Article  | ☐ Software Tool Article  | ☐ Correspondence  |
| ☐ Brief Report  | ☐ Method Article  | ☐ Editorial  |
| ☐ Data Note  | ☐ Study Protocol  | |
| ☐ Case Report  | ☐ Review  | |
| ☐ Clinical Practice Article  | ☐ Systematic Review  | |
| ☐ Antibody Validation Article  | ☐ Opinion Article  | ☐ Faculty Review  |

Article Title *

I $\times^2$ $\times_2$

Abstract *

Words: 0 (Limit: 300)   **B** *I* U $\times^2$ $\times_2$ $\frac{1}{2}$ $\frac{1}{3}$

Keywords *

Please separate keywords with commas

Enter at least one keyword (in English). Keywords will greatly increase the discoverability of your work.

Authors *

Reorder authors using the arrows icon.

PLEASE NOTE Once you start linking authors to affiliations, you will not be able to delete or reorder the authors or affiliations. If you need to delete or reorder, please select **UNLINK ALL** and start again.

☐ Corresponding Author

Author contribution(s)

We are using the [CRediT](#) taxonomy to capture detailed author contributions, to facilitate recognition for all involved.

- | | |
|--|--|
| ☐ Conceptualization  | ☐ Resources  |
| ☐ Data Curation  | ☐ Software  |
| ☐ Validation  | ☐ Supervision  |

Files

Upload manuscript *

DOC, DOCX or RTF only

CHOOSE FILE



Upload data file(s) *

Articles must include the raw data underlying the results. Please see the [Data Guidelines](#)

CHOOSE FILE



☐ I cannot provide the raw data files, or they are already stored in a repository (please provide details in the field below)

Upload figure file(s)

CHOOSE FILE

Upload covering letter

CHOOSE FILE

Payment

☐ I understand that the authors are responsible for the payment of an article processing charge, unless the article is eligible for a waiver.

Articles may also qualify for waivers when certain promotions are running, which we will confirm post-submission.

Do you have a promotional code or think you might be eligible for a discount or waiver?

NO

☐

License Agreements

F1000Research publishes articles under the Creative Commons license. Please tick the boxes below to confirm your acceptance of the F1000 Research Limited Terms and Conditions and the terms of the following Creative Commons licenses in connection with the article being submitted ("the Article") and any data you submit in support of the Article ("the Data").

- ☐ I accept the F1000 Research Ltd [Terms and Conditions](#) for publication
- ☐ I and my co-authors (if any) authorize the use of the Article in accordance with the [Creative Commons CC BY license](#)
- ☐ I and my co-authors (if any) authorize the use of the Data in accordance with the [Creative Commons CC0 license](#)
- ☐ **For NIH Employees only:** I am an employee of the NIH and as a result the above licenses are subject to the terms of the [NIH Publishing Agreement and Manuscript Cover Sheet](#)

Articles are open access and are usually published under the CC BY license; copyright remains with the authors. Data are published under the CC0 license unless otherwise specified. If you have any questions, [contact us](#).

Declarations

- ☐ I confirm that I and my co-authors are the authors of the Article.
- ☐ I confirm that my co-authors have agreed to the submission of the Article and the Data and have authorized me to act as their agent in relation to its submission.
- ☐ I confirm that my co-authors and I have all necessary rights and have obtained all necessary permissions and consents to grant the rights granted to the Article and Data in the License section above.
- ☐ I confirm that this Article is not currently under consideration or review by another publisher, elsewhere.
- ☐ If applicable: I confirm that the funders had no role in study design, data collection and analysis, decision to publish, or preparation of the manuscript. (If this is the case, this statement will be added to the Grant information section of your manuscript at publication.)

CANCEL

SAVE AS DRAFT

SUBMIT²³

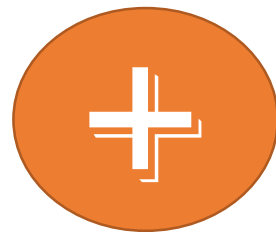
2. 公開前のトリアージ

著者要件確認など

3. 公開前チェック

独創性 (iThenticate)、読みやすさ、データの可用性、レビューアの推奨事項など

4. 公開! (DOI, Payment)



F1000Research

Search

SUBMIT YOUR RESEARCH

BROWSEGATEWAYS & COLLECTIONSHOW TO PUBLISHABOUTBLOGMY RESEARCHSIGN OUT

[Home](#) » [Browse](#) » Precision medicine implementation and research-practice partnerships:...

RESEARCH ARTICLE

Check for updates

Precision medicine implementation and research-practice partnerships: implications of measurement scale differential item functioning [version 1; peer review: awaiting peer review]

John J. O. Mogaka , Moses J. Chimbari

Author details

Abstract

Background: Omics-based biomarkers (OBMs) inform precision medicine (PM). As omics-based

ALL METRICS

24

VIEWS

5

DOWNLOADS

Get PDF

Get XML

Open Peer Review

Reviewer Status
AWAITING PEER REVIEW

Comments on this article

All Comments (0)

Add a comment

5. 公開査読

[Home](#) » [Browse](#) » [A hands-on introduction to querying evolutionary relationships across...](#)

METHOD ARTICLE



REVISED A hands-on introduction to querying evolutionary relationships across multiple data sources using SPARQL [version 2; peer review: 1 approved, 2 approved with reservations]

Ana Claudia Sima¹⁻³, Christophe Dessimoz ²⁻⁶, Kurt Stockinger¹, Monique Zahn-Zabal ^{2,3},
✉ Tarcisio Mendes de Farias ^{2-4,7}

 Author details

 This article is included in the [The OMA collection](#) collection.

Abstract

The increasing use of Semantic Web technologies in the life sciences, in particular the use of the Resource Description Framework (RDF) and the RDF query language SPARQL, opens the path for novel integrative analyses, combining information from multiple data sources. However, analyzing evolutionary data in RDF is not trivial, due to the steep learning curve required to understand both the data models adopted by different RDF data sources, as well as the equivalent SPARQL constructs required to benefit from this data – in particular, recursive property paths. In this article, we provide a hands-on introduction to querying evolutionary data across several data sources that publish


ALL METRICS

600

 VIEWS

55

 DOWNLOADS

 Get PDF

 Get XML

 Cite

 Export

 Track

 Email

 Share

Open Peer Review

Reviewer Status    

Reviewer Reports

Invited Reviewers

	1	2	3
Version 2 (revision) 22 7 20			
Version 1 29 10 19	 read	 read	 read

1. Andra Waagmeester , Micelio, Antwerp, Belgium
2. Ikko Uchiyama , National Institute for Basic Biology, National Institutes of Natural Sciences, Okazaki, Japan
3. Tatsuya Kushida , National Bioscience Database Center, Tokyo, Japan; RIKEN BioResource Research Center, Tsukuba, Japan

6. 査読者2名の承認 (Scopus, Pubmed, Google Scholar)



F1000Research
Open for Science

Search

BROWSE GATEWAYS & COLLECTIONS HOW TO PUBLISH ▾ ABOUT ▾ BLOG

[Home](#) » [Browse](#) » [A reanalysis of mouse ENCODE comparative gene expression data](#)

RESEARCH ARTICLE

A reanalysis of mouse ENCODE comparative gene expression data [version 1; peer review: 3 approved, 1 approved with reservations]

✉ Yoav Gilad, Orna Mizrahi-Man

✚ [Author details](#)

Check for updates



This article is included in the [Preclinical Reproducibility and Robustness](#) gateway.

Abstract

Recently, the Mouse ENCODE Consortium reported that comparative gene expression data from human and mouse tend to cluster more by species rather than by tissue. This observation was surprising, as it contradicted much of the comparative gene regulatory data collected previously, as well as the common notion that major developmental pathways are highly conserved across a wide range of species, in particular across mammals. Here we show that the Mouse ENCODE gene expression data were collected using a flawed study design, which confounded sequencing batch (namely, the assignment of samples to sequencing flowcells and lanes) with species. When we account for the batch effect, the corrected comparative gene expression data from human and mouse tend to cluster by tissue, not by species.

ALL METRICS

31229

VIEWS

3257

DOWNLOADS

Get PDF

Get XML

Cite

Export

Track

Email

Share

METRICS

VIEWS

DOWNLOADS

F1000Research

29571

2782

PubMed Central ⓘ

1658

475

CITATIONS

Scopus[®] ⓘ

43

PubMed ⓘ

28

Google Scholar ⓘ

Mentioned in 3 Google+ posts
Tweeted by 272
On 3 Facebook pages
Blogged by 13
Picked up by 2 news outlets

185 readers on Mendeley
2 readers on CiteULike

誰におすすめなのか

- 論文をすぐに出版したい
- 論文の認知度を高めたい
- 論文をScopus, PubMed, PMCに収録したい
- 論文のCitationを上げたい
- 論文の著作権を保有したい
- リーズナブルにオープンアクセスにしたい

New article processing charges





開かれた未来へ。

筑波大学
University of Tsukuba

おわりに

IMAGINE
THE
FUTURE.

【筑波大学ゲートウェイの可能性】

- 筑波大学の研究成果の国際的な見える化を推進
- 筑波大学ゲートウェイが波及して、どこの国の言葉でも「迅速かつオープンに制約なしに」研究成果を発信できることがグローバルスタンダードになれば良いと願っています。



開かれた未来へ。

筑波大学

University of Tsukuba

ご静聴ありがとうございました

ご意見、ご質問は下記アドレスで随時受付中です。

ut-gateway@un.tsukuba.ac.jp

研究大学強化促進事業

JSPS科研費18H00043

JSPS科研費19K12695

科研費
KAKENHI