生命科学分野における
プレプリントの位置付けや経験について,
統合TVについて

小野 浩雅

大学共同利用機関法人 情報・システム研究機構 データサイエンス共同利用基盤施設
ライフサイエンス統合データベースセンター(DBCLS)

Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

@ 第2回 SPARC Japan セミナー2017 (オープンアクセス・サミット2017)
「プレプリントとオープンアクセス」

自己紹介

DBCLS
Database Center
for Life Science

小野 浩雅 Hiromasa Ono
hono@dbcls.rois.ac.jp
https://twitter.com/h_ono

2005年　日本大学 生物資源科学部 動物資源科学科 卒業
2010年　日本大学大学院 生物資源科学研究科 博士後期課程 単位取得退学
2010年　ライフサイエンス統合データベースセンター(DBCLS) 特任技術専門員
2011年7月 日本大学 博士 (生物資源科学) 取得
2012年6月より 同 特任助教

34歳。週末は、競走馬の運動生理学および統計遺伝学のアマチュア研究

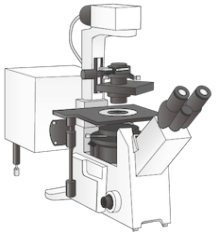
Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

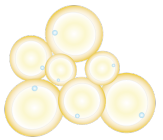
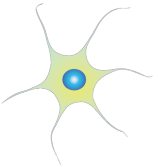
Wet と Dry

DBCLS
Database Center
for Life Science

学部

ブタ成熟脂肪細胞に由来する前駆脂肪細胞(DFAT-P)の神経細胞への
分化転換に関する研究



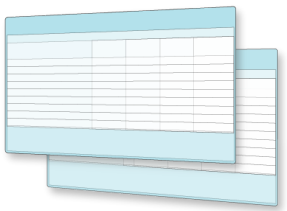

修士

ブタ成熟脂肪細胞および顆粒膜細胞における脱分化機構の網羅的解析

博士

ブタ成熟脂肪細胞および卵胞顆粒層細胞における脱分化ならびに
多能性獲得機構の網羅的解析







Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

images © 2016 DBCLS Togo Picture Gallery / CC-BY 4.0

現在

DBCLS
Database Center for Life Science

編集者@統合TV

生命科学分野の「オープンエデュケーション」ツールのひとつ。有用なDBやウェブツールの活用法を動画で紹介。



開発者@RefEx

オープンデータの再利用の例。
正常組織や細胞株の遺伝子発現データを簡単に検索できるデータベース。

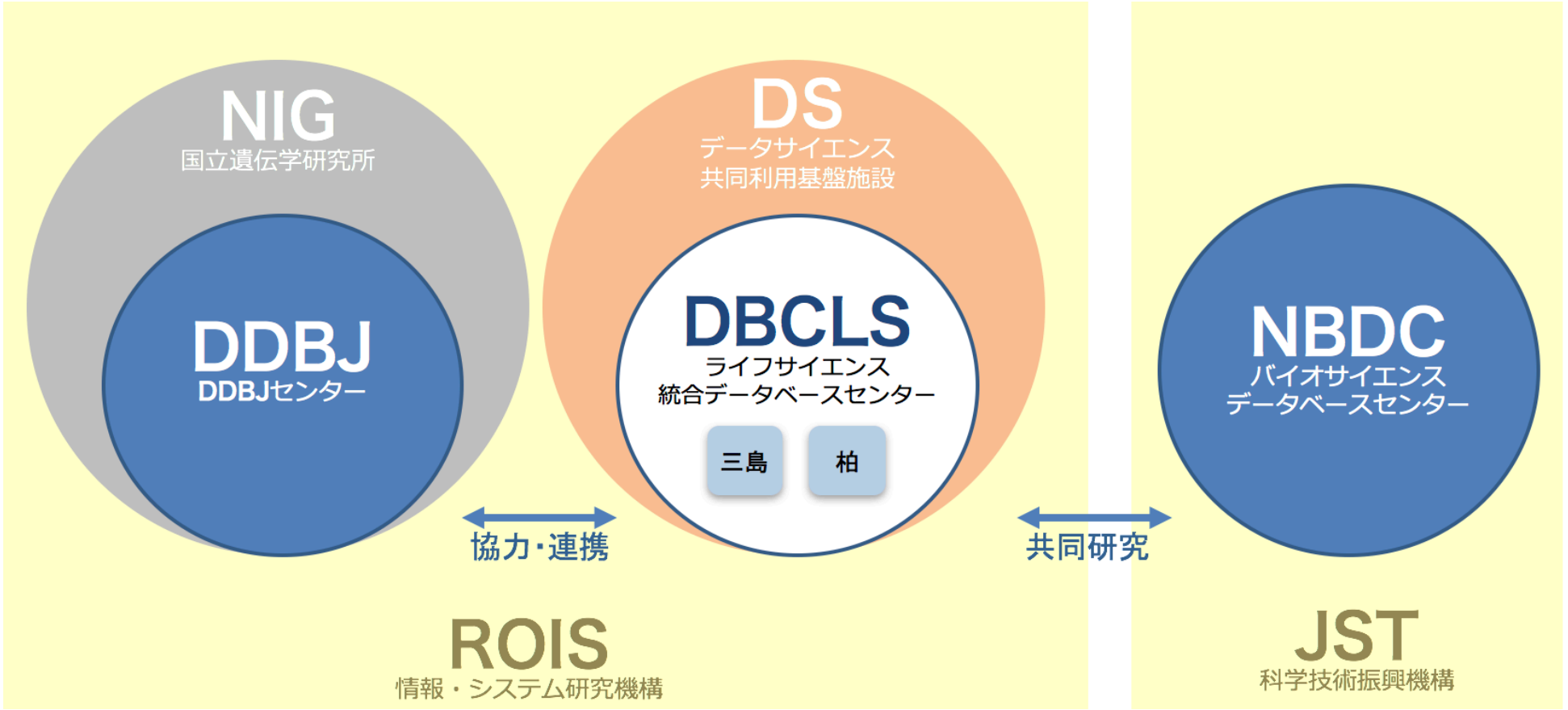


講師@統合データベース講習会

生命科学分野のデータベース活用に資する人材育成・教育

Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

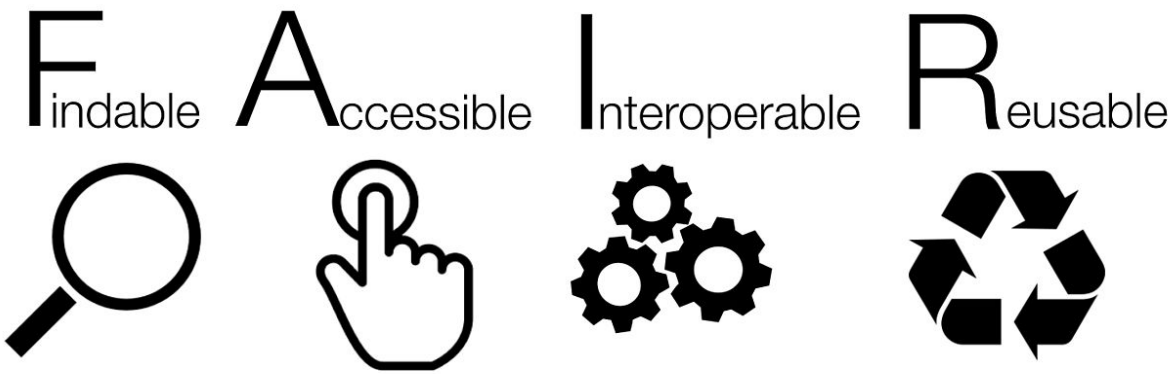
DBCLS の立ち位置



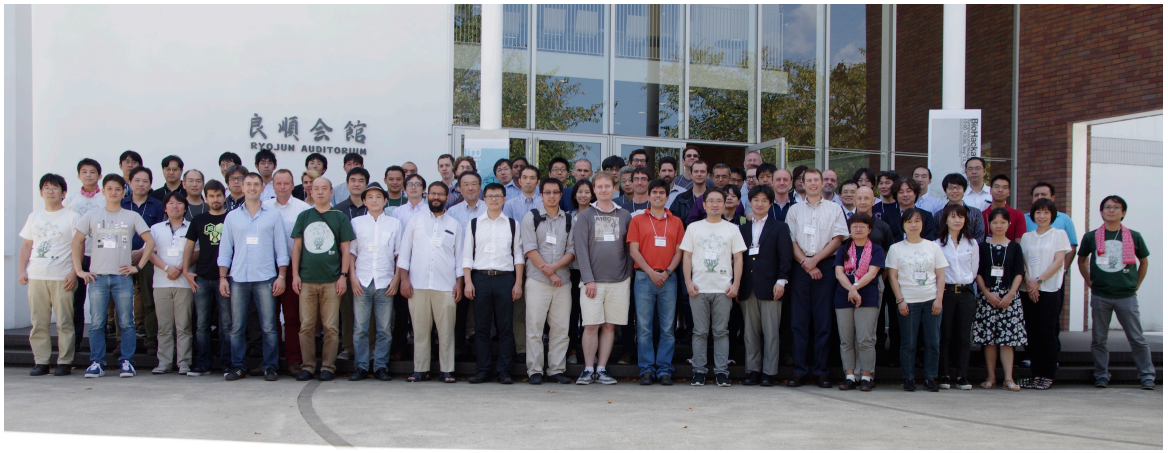
Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

FAIR と DBCLS

DBCLS
Database Center
for Life Science



https://commons.wikimedia.org/wiki/File:FAIR_data_principles.jpg



BioHackathon http://2015.biohackathon.org/

SCIENTIFIC DATA

Altmetric: 1059 Citations: 141 More detail »

Comment | OPEN

The FAIR Guiding Principles for scientific data management and stewardship

Mark D. Wilkinson, Michel Dumontier […] Barend Mons

Acknowledgements

The original Lorentz Workshop 'Jointly Designing a Data FAIRport' was organized by Barend Mons in collaboration with and co-sponsored by the Lorentz center, The Dutch Techcenter for the Life Sciences and the Netherlands eScience Center. The principles and themes described in this manuscript represent the significant voluntary contributions and participation of the authors at, and/or subsequent to, this workshop and from the wider Force11, BD2K and ELIXIR communities. We also acknowledge and thank the organizers and backers of the NBDC/DBCLS BioHackathon 2015, where several of the authors made significant revisions to the FAIR Principles.

https://www.nature.com/articles/sdata201618

Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

統合TV

http://togotv.dbcls.jp/ja/

DBCLS Database Center for Life Science



生命科学分野の有用な**DB**
やツールの使い方を 動画で手取り足取り解説!!

生命科学研究を進めるために最低限知っておくべきバイオ系DBを網羅

さらに、コピペでできるバイオインフォマティクスから中級者・上級者向けのコマンドライン操作まで徹底解説

すべての動画にDOIを付与

Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

統合TV YouTube 支店

https://www.youtube.com/user/togotv

DBCLS Database Center for Life Science





動画	総再生時間（時間）* ↓	視聴回数	平均視聴時間*	平均再生率（%）*
パワーポイントの図形描画機能でイラストを...	2,665 (5.5%)	43,607 (5.0%)	3:57	32%
【NGSハンズオン】UNIX/Linuxとスクリプト...	1,816 (3.8%)	7,250 (0.8%)	15:01	5.0%
パワーポイントの図形描画機能でイラストを...	1,258 (2.6%)	18,435 (2.1%)	4:28	39%
PCRプライマー設計ツール Primer3の使い方 2...	1,036 (2.1%)	16,829 (1.9%)	4:53	48%
Gmailの使い方(基本編)	855 (1.8%)	18,979 (2.2%)	2:42	36%
【NGSハンズオン】UNIX/Linuxとスクリプト...	811 (1.7%)	3,416 (0.4%)	14:14	5.9%

Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

各種講習会 の 教材 と 動画 を 同時に閲覧できます

http://togotv.dbcls.jp/ja/ajacs_text.html

DBCLS Database Center for Life Science

TOGOTV 生命科学系DB・ツール使い倒し系チャンネル　はじめての方へ　再生数ランキング　お問い合わせ・番組をリクエスト

『統合TV』は、生命科学分野の有用なデータベースやツールの使い方を動画で紹介するウェブサイトです。

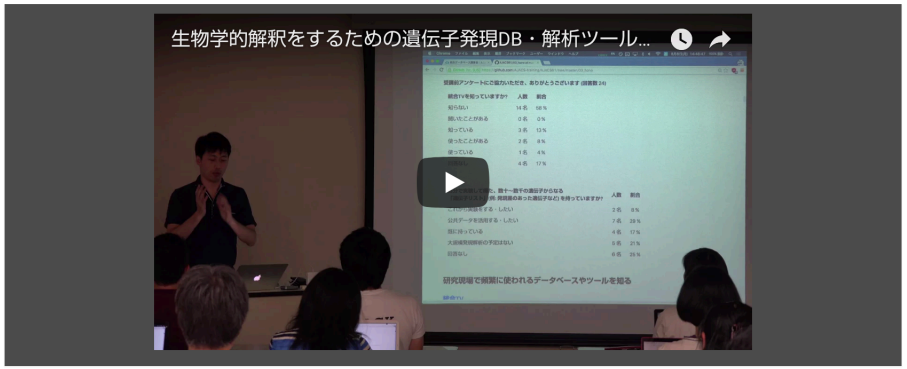
目的別に検索

- 講習会 実習資料 (AJACS)
- ゲノム・核酸 配列解析
- タンパク質 配列・構造解析
- 発現制御解析・可視化
- 文献・辞書・プログラミング
- 著名データベース
- その他講演・講習会
- 自由に使える画像を探す

生物学的解釈をするための遺伝子発現DB・解析ツールの使い方

イベント・講習会の情報

- 開催日時: 2016-08-08
- 講習会名: AJACSこまち
- 講師: 小野 浩雅 (情報・システム研究機構 データサイエンス共同利用基盤施設 ライフサイエンス統合データベースセンター (DBCLS))
- 会場: 秋田県産業技術センター 高度技術研究館
- このテキストを引用する際はDOIをご利用ください。DOI: 10.7875/ajacs.2016.025
- この講習に関連するタグ:実習 AJACS 発現解析 データベース ウェブツール



AJACSこまち 生物学的解釈をするための遺伝子発現DB・解析ツールの使い方

大学共同利用機関法人 情報・システム研究機構
データサイエンス共同利用基盤施設
ライフサイエンス統合データベースセンター
小野 浩雅
hono@dbcls.rois.ac.jp
2016年8月8日(月) AJACSこまち@秋田県産業技術センター 高度技術研究館 2階ミーティングルーム

これは統合データベース講習会 AJACS前橋「生物学的解釈をするための遺伝子発現DB・解析ツールの使い方」の講習資料です。
この内容の続編として、AJACS御茶ノ水(2015年5月)における応用・実践編 がありますので、こちらもあわせてご活用ください。

【実習3】これまで学んだことを踏まえて、発現データの結果を生物学的に解釈する

- DAVID の使い方に慣れてきたところで、実戦的な生物学的解釈に挑戦してみましょう。
- 今回は「正解」はありません。情報分析力と想像力が問われます。
- 例題は、GSE28619 をつかいます。
- 健常者 vs アルコール性肝炎患者 の2群比較です。
- 多重比較法(Benjamini & Hochberg)を指定して、有意水準1%未満かつ2倍以上発現差のあった遺伝子群のリストをあらかじめ用意しました。
  - 「健常者>AH患者_遺伝子リスト」GEO2R_Ctrl.txt
  - 「AH患者>健常者_遺伝子リスト」GEO2R_AH.txt
  - (この遺伝子リストの作り方は、AJACS御茶ノ水の回 で解説しています。)
- DAVID 以外のツールを使ってみる
- GeneTrail2
  - 2016年1月公開。ザールラント大(独)が開発・運用。原著論文 PMID: 26787660
  - トランスクリプトームのほか、プロテオーム、miRNA、SNP にも対応
  - GSE 番号 の入力だけで、GEOから直接データ取得が可能
  - IDリストのほか発現量込みリスト、タイムコースデータなども使用可能
  - 主要なモデル生物種に対応
  - 実験系に適した統計解析の選択肢が豊富
  - 同じ生物種間であれば、別の解析結果同士を比較することも可能
  - 統合TV あります → GeneTrail2を使って、エンリッチメント解析を行う
  - 解析結果セットはダウンロード可能だがアップロードして再表示はできない
  - データセットによってエラーが出て解析できない...(バグ?)
- Metascape
  - 2015年10月スタート。原著論文 PMID: 26651948
  - 「なぜ、DAVIDはもはや使うべきではないのか」提言 → metascape 使おう
  - 対応ID: Entrez Gene ID, RefSeq, Gene Symbol, Ensembl, UCSC, UniProt.
  - 生物種は、ヒト、マウス、ラットのみ
  - IDリストのほかタイムコースなどの複数リストデータも使用可能
  - 複数リスト間のアノテーションについて差分表示が可能
  - GOのエンリッチメント解析で階層的クラスタリングもできる
  - 統合TV 作成中
  - まだシステムが不安定(?)で大量クエリ投げると結果が帰ってこない場合もある
  - Chromeだとjavascript周りでエラーが出て使えない(?)ことも
- GeneSetDB
  - 九州大学 荒木さんが開発。オークランド大学バイオインフォマティクス研究所が運用。原著論文 PMID: 23650583
  - 医学・薬学分野に特化したデータベースを解析対象にすることができる
  - 統合TV あります → GeneSetDBで遺伝子解析とエンリッチメント解析を行う
  - 2:50~ エンリッチメント解析を行う
- 一応ひとつの答え
- このデータを使った論文があります。
  - Transcriptome analysis identifies TNF superfamily receptors as potential therapeutic targets in alcoholic hepatitis.
  - Gut. 2013 Mar;62(3):452-60. doi: 10.1136/gutjnl-2011-301146.
- 似たような結論が導かれましたか? あるいは、著者らが見逃している(かもしれない)着眼点や新たな着想が得られましたか?

Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

http://doi.org/10.7875/ajacs.2016.025

最新の解析手法のハンズオン講習会の動画もあります

http://togotv.dbcls.jp/ja/tags.html?tag=NGS速習・ハンズオン

DBCLS Database Center for Life Science

TOGOTV 生命科学系DB・ツール使い倒し系チャンネル　はじめての方へ　再生数ランキング　お問い合わせ・番組をリクエスト

『統合TV』は、生命科学分野の有用なデータベースやツールの使い方を動画で紹介するウェブサイトです。

目的別に検索
- 講習会 実習資料 (AJACS)
- ゲノム・核酸 配列解析
- タンパク質 配列・構造解析
- 発現制御解析・可視化
- 文献・辞書・プログラミング
- 著名データベース
- その他講演・講習会
- 自由に使える画像を探す

関連するタグから検索
ゲノム (235) 遺伝子 (378) タンパク質 (186) 配列解析 (211) 発現解析 (290) NGS (215) 文献検索 (216) 情報収集 (117) 環境設定 (121)
DBCLS (179) English (184) ウェブツール (193) ソフトウェア (70) データベース (310) 講演 (560) 実習 (321)

【NGS速習・ハンズオン】に関係する動画・講習会資料・新着論文レビュー

【動画番組】 さらに表示する (36)

- 2016-10-25 【NGSハンズオン2016】第3部 NGS解析 (中〜上級) - トランスクリプトームアセンブリ、発現量推定
- 2016-10-24 【NGSハンズオン2016】第3部 NGS解析 (中〜上級) - クラウド環境との連携、ロングリードデータの解析
- 2016-10-23 【NGSハンズオン2016】第3部 NGS解析 (中〜上級) - Linux環境でのデータ解析:マッピング、トリミング、アセンブリ
- 2016-10-22 【NGSハンズオン2016】第3部 NGS解析 (中〜上級) - Linux環境でのデータ解析:JavaやRの利用法
- 2016-10-21 【NGSハンズオン2016】第2部 NGS解析 (初〜中級) - ChIP-seq
- 2016-10-20 【NGSハンズオン2016】第2部 NGS解析 (初〜中級) - RNA-seq
- 2016-10-19 【NGSハンズオン2016】第2部 NGS解析 (初〜中級) - ゲノムReseq、変異解析
- 2016-10-18 【NGSハンズオン2016】第2部 NGS解析 (初〜中級) - NGS解析基礎
- 2016-10-17 【NGSハンズオン2016】第1部 統計解析 - トランスクリプトーム解析2
- 2016-10-16 【NGSハンズオン2016】第1部 統計解析 - トランスクリプトーム解析1
- 2015-11-17 【NGSハンズオン2015】NGS解析 - ChIP-seqの基礎実習(初級)
- 2015-11-16 【NGSハンズオン2015】NGS解析 - RNA-seq、カウントデータ取得以降の統計解析
- 2015-11-15 【NGSハンズオン2015】NGS解析 - RNA-seq
- 2015-11-14 【NGSハンズオン2015】NGS解析 - ゲノムReseq、変異解析
- 2015-11-13 【NGSハンズオン2015】NGS解析 - NGS解析基礎
- 2015-11-12 【NGSハンズオン2015】データ解析環境R - Bioconductorの利用法
- 2015-11-11 【NGSハンズオン2015】データ解析環境R - R基礎
- 2015-11-10 【NGSハンズオン2015】UNIX/Linuxとスクリプト言語 - Python入門
- 2015-11-09 【NGSハンズオン2015】UNIX/Linuxとスクリプト言語 - Perl入門
- 2015-11-08 【NGSハンズオン2015】UNIX/Linuxとスクリプト言語 - シェルスクリプト入門
- 2015-11-07 【NGSハンズオン2015】UNIX/Linuxとスクリプト言語 - Linux基礎
- 2014-11-06 【NGS速習コース】4. 次世代シークエンサ〜4-4. 次世代シークエンサ実習II (RNA-seq解析)
- 2014-11-05 【NGS速習コース】4. 次世代シークエンサ〜4-4. 次世代シークエンサ実習II (Reseq解析)
- 2014-11-04 【NGS速習コース】5. ゲノム関連の倫理・法律〜5-1. ゲノム情報倫理概論
- 2014-11-03 【NGS速習コース】6. 分子生命科学〜6-1. 分子生命科学概論、6-2. オミクス概論、6-3. 遺伝/進化概論
- 2014-11-02 【NGS速習コース】4. 次世代シークエンサ〜4-4. 次世代シークエンサ実習II (ChIP-seqの代表的なパイプラインに関する実習)
- 2014-11-01 【NGS速習コース】4. 次世代シークエンサ〜4-3. 次世代シークエンサ実習I
- 2014-10-31 【NGS速習コース】3. データ解析基礎〜3-4. R bioconductor I、3-5. R bioconductor II
- 2014-10-30 【NGS速習コース】3. データ解析基礎〜3-1. R基礎1、3-2. R基礎2、3-3. R各種パッケージ
- 2014-10-29 【NGS速習コース】2. 配列インフォマティクス〜2-2. バイオ系データベース概論
- 2014-10-28 【NGS速習コース】2. 配列インフォマティクス〜2-1. 配列解析基礎
- 2014-10-27 【NGS速習コース】1. コンピュータリテラシーとサーバー設計〜1-4. スクリプト言語(Perl)
- 2014-10-26 【NGS速習コース】1. コンピュータリテラシーとサーバー設計〜1-4. スクリプト言語(シェルスクリプト)
- 2014-10-25 【NGS速習コース】1. コンピュータリテラシーとサーバー設計〜1-3. UNIX I(続)〜UNIXの基礎の理解、Linux導入
- 2014-10-24 【NGS速習コース】1. コンピュータリテラシーとサーバー設計〜1-3. Unix I UNIXの基礎の理解、Linux導入
- 2014-10-23 【NGS速習コース】1. コンピュータリテラシーとサーバー設計〜1-1. OS、ハード構成、1-2. ネットワーク基礎

YouTube JP　検索　アップロード

togotv　動画　再生リスト　チャンネル　フリートーク　概要



NGSハンズオン講習会2015

togotv • 11 本の動画 • 視聴回数 247 回 • 最終更新日: 2015/11/16

説明を追加

すべて再生　共有　再生リストの設定　動画を追加

1  【NGSハンズオン】UNIX/Linuxとスクリプト言語 - Linux基礎 作成者: togotv 3:52:11

2  【NGSハンズオン】UNIX/Linuxとスクリプト言語 - シェルスクリプト入門 作成者: togotv 4:03:11

3  【NGSハンズオン】UNIX/Linuxとスクリプト言語 - Perl入門 作成者: togotv 5:31:47

4  【NGSハンズオン】UNIX/Linuxとスクリプト言語 - Python入門 作成者: togotv 4:59:05

5  【NGSハンズオン】データ解析環境R - R基礎 作成者: togotv 4:29:35

6  【NGSハンズオン】データ解析環境R - Bioconductorの利用法 作成者: togotv 4:46:32

7  【NGSハンズオン】NGS解析 - NGS解析基礎 作成者: togotv 4:33:25

8  【NGSハンズオン】NGS解析 - ゲノムReseq、変異解析 作成者: togotv 4:42:07

9  【NGSハンズオン】NGS解析 - RNA-seq 作成者: togotv 2:52:17

10  【NGSハンズオン】NGS解析 - RNA-seq、カウントデータ取得以降の統計解析 作成者: togotv 2:08:28

11  【NGSハンズオン】NGS解析 - ChIP-seqの基礎実習(初級) 作成者: togotv 5:07:20

- 2014年分で 延べ 43時間超
- 2015年分で 延べ 47時間超
- 2016年分で 延べ 64時間超
- YouTubeのリスト機能で連続再生も可能

Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

生命科学分野の静止画素材もあります

http://togotv.dbcls.jp/ja/pics.html

DBCLS Database Center for Life Science



- だれでも自由に閲覧・利用可能な、ライフサイエンス分野の画像・イラスト集
- モデル生物、実験器具、実験装置、模式図、次世代シーケンサー、細胞、顕微鏡など、研究発表のスライド作成や資料作成等に利用可能
- クレジットの明記で、転載・改変・再利用 OK

Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

RefEx - Reference Expression Dataset

http://refex.dbcls.jp/

DBCLS Database Center for Life Science

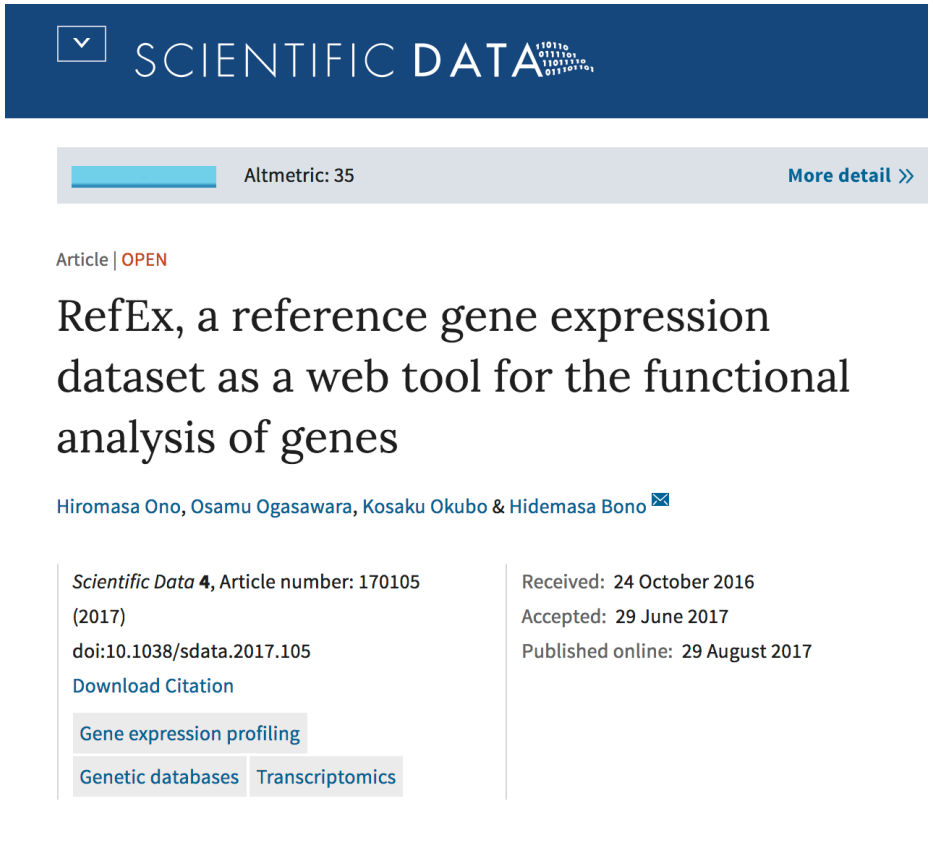


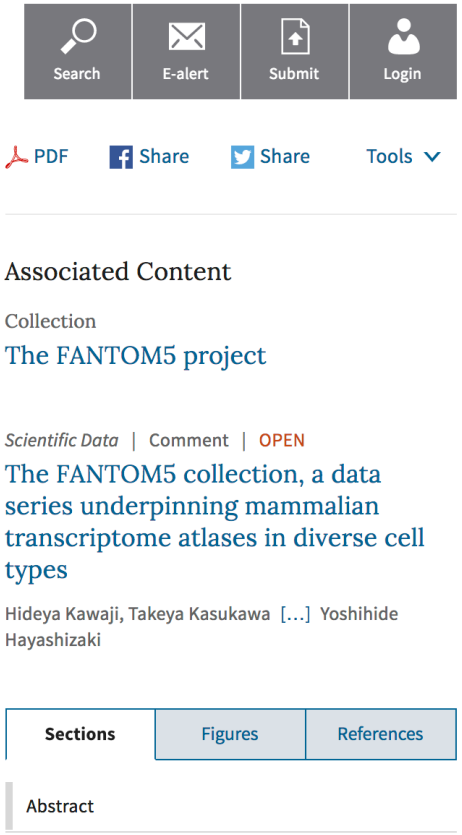
- 遺伝子発現解析の基準となるデータを快適に検索できるウェブツール
- 生命科学の公共データベースには遺伝子発現データが大量に蓄積されているが、その多様さ・膨大さから利用が困難
- 正常臓器や細胞等における各遺伝子の遺伝子発現量を簡単に検索、閲覧できる

Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

「データジャーナル」への投稿

DBCLS Database Center for Life Science



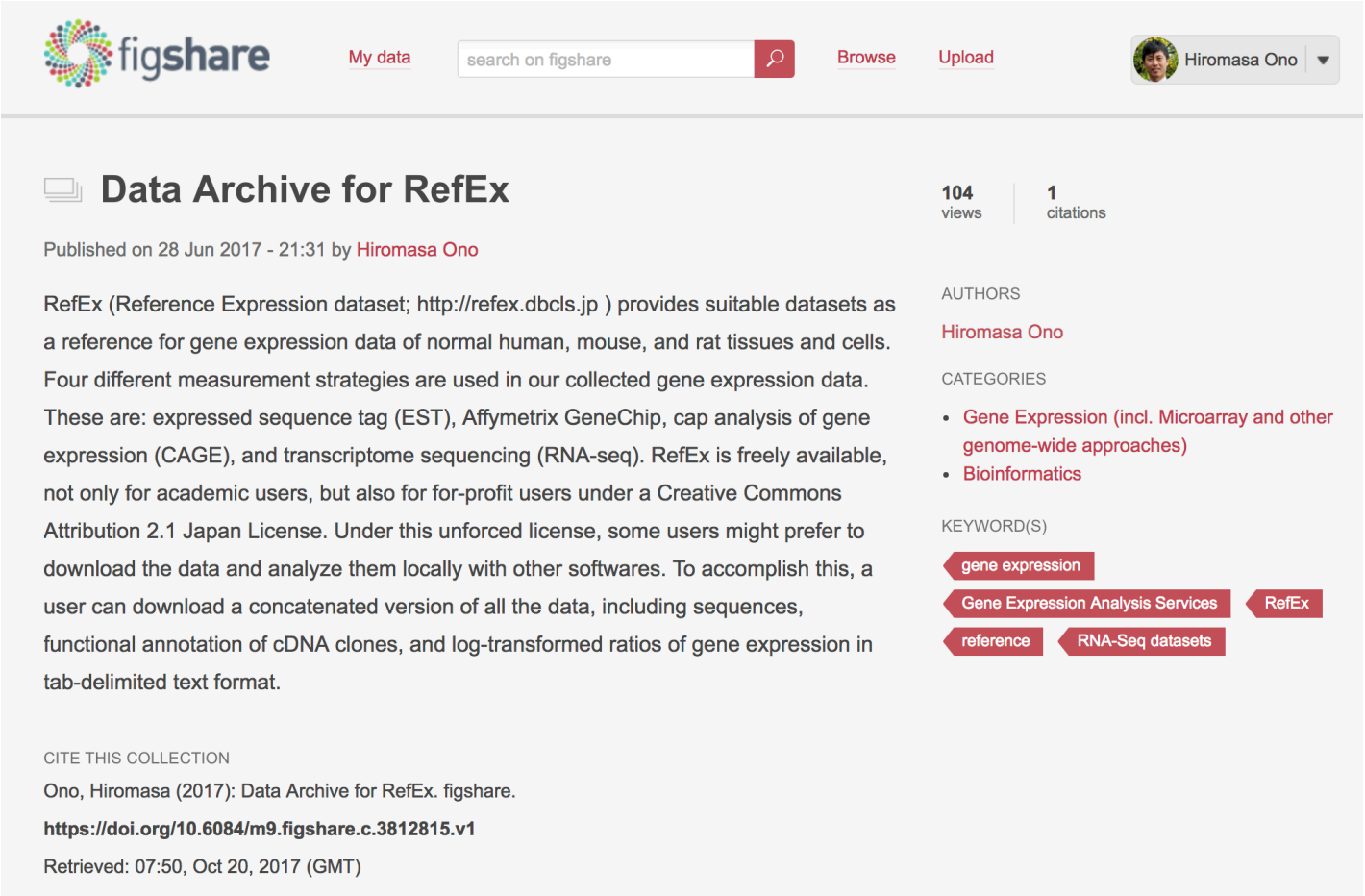


- 新設されたArticleタイプの論文
  - 一次データセットについて測定の対象、方法、品質を記述する「Data descriptor」ではウェブツールは取り上げない
- Technical Validationを記述する
- 再解析したデータ・プログラムを公開レポジトリに公開する

Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

http://doi.org/10.1038/sdata.2017.105

「公開レポジトリ」への解析済みデータの寄託

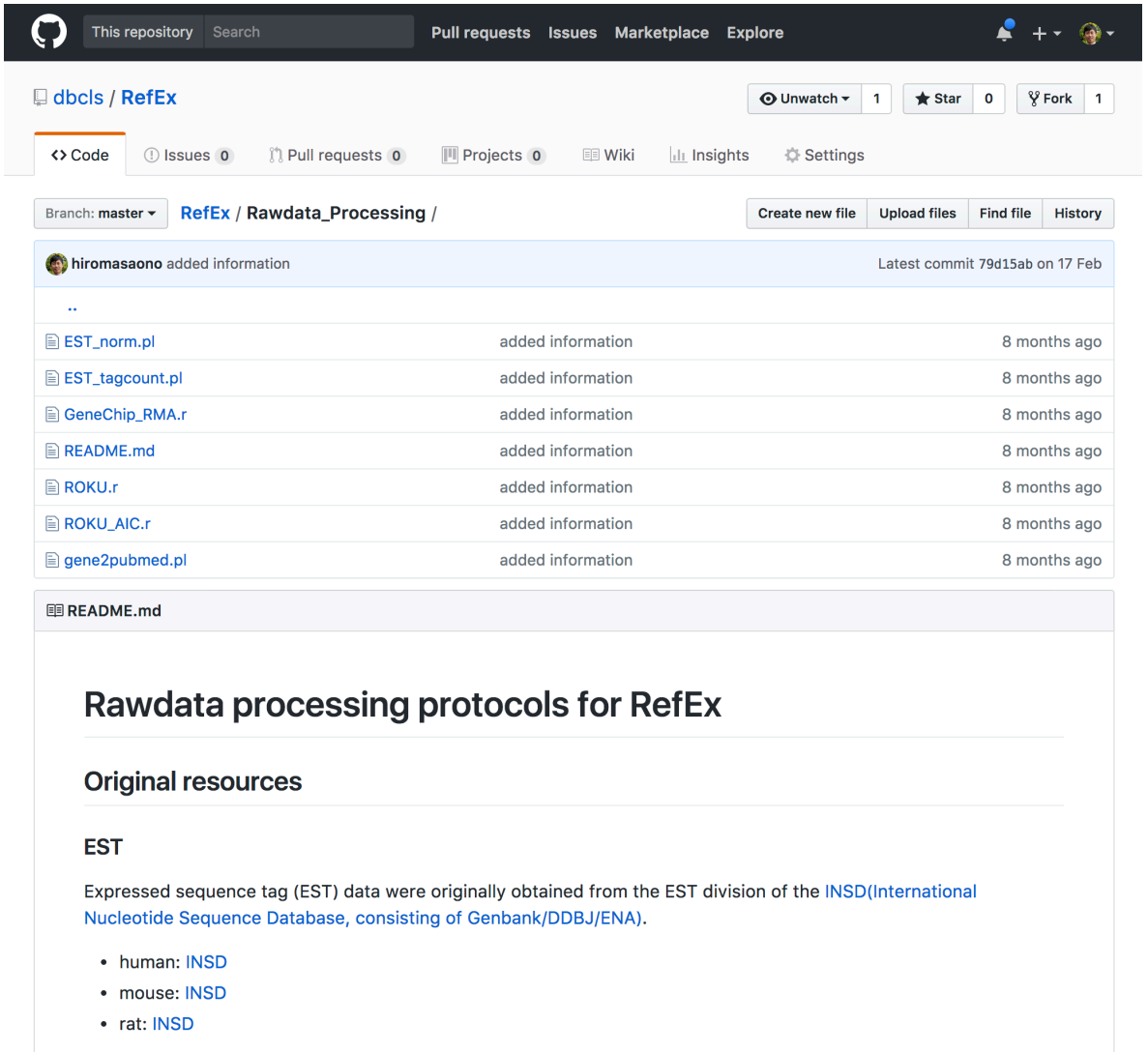


- https://doi.org/10.6084/m9.figshare.c.3812815
- 全ての再解析データがDOI付きで公開

Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

「公開レポジトリ」への解析プログラムの寄託

DBCLS Database Center for Life Science



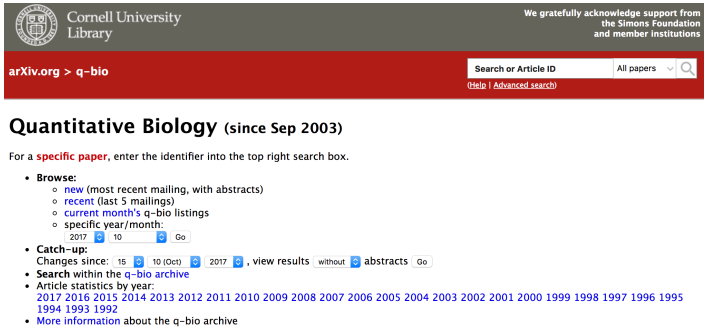
- https://github.com/dbcls/RefEx/
- 公開データの再解析に用いたプログラムやドキュメントを整理

Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

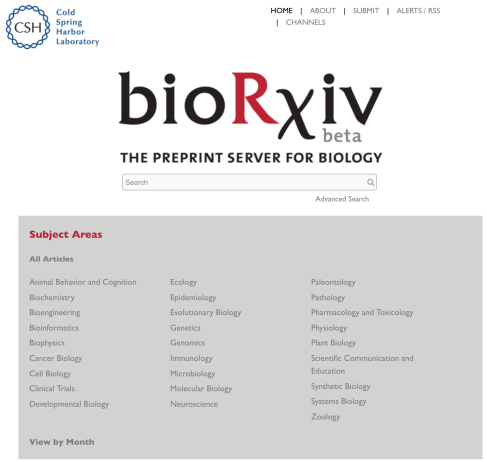
生命科学分野のプレプリントサーバ

DBCLS
Database Center for Life Science

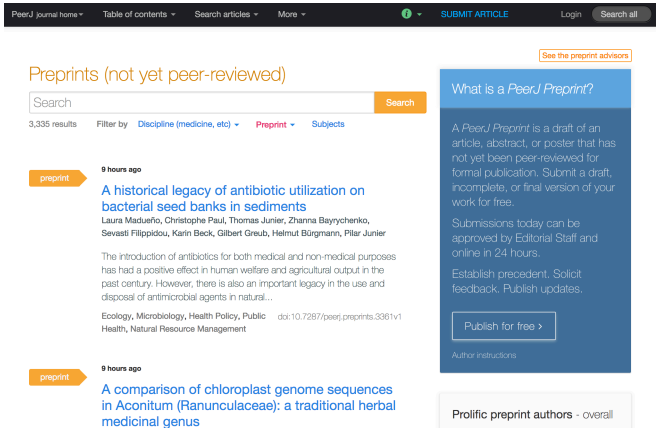
arXiv.org > q-bio https://arxiv.org/list/q-bio/recent



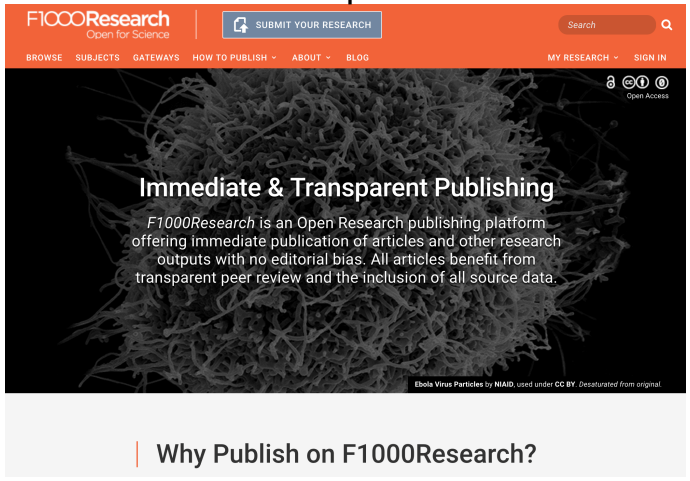
bioRxiv https://www.biorxiv.org/



PeerJ Preprints https://peerj.com/preprints-search/



F1000Research https://f1000research.com/

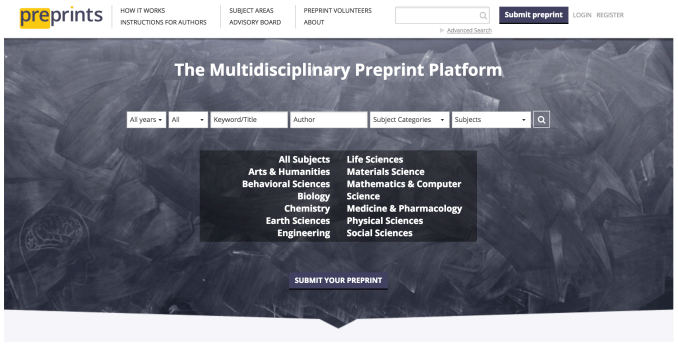


the WINNOWER https://thewinnower.com/

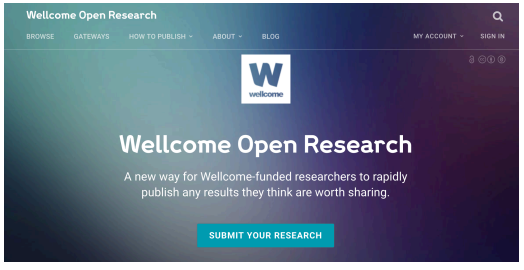


Submit your work. Collect Reviews. Assign DOI & Archive.

Preprints https://www.preprints.org/



Wellcome Open Research https://wellcomeopenresearch.org/



Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

プレプリントの検索サービス「PrePubmed」

http://www.prepubmed.org/

DBCLS Database Center for Life Science

Omnes Res

prepubmed

Search

Advanced Help

PrePubMed

PrePubMed indexes preprints from arXiv q-bio, PeerJ Preprints, bioRxiv, F1000Research, preprints.org, The Winnower, Nature Precedings, and Wellcome Open Research. Articles are not stored on PrePubMed, but you will be linked to the article at the respective site.

Valid searches	Invalid searches	PrePubMed Tools
Jordan Anaya	Anaya J [au]	GRIM Test
Anaya J	cancer AND TCGA	General GRIM Test
Anaya J cancer TCGA	peptide OR protein	GRIMMER Test
"prognostic genes"	Berkeley	RSS Feed

Quick Guide

Titles Double Quotes!

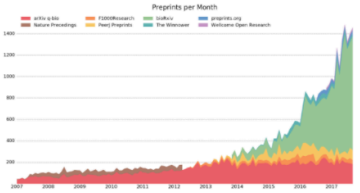
Authors Simply type name

Affiliations Advanced Search

Text Exact match

Terms AND logic

Monthly Statistics



#preprint

Balint Kacsoh @BalintZKacsoh

Check out our new #preprint on Drosophila language and dialects! #openaccess #Drosophila #dialects @GiovanniBosco45 @JBozler

16h

Matthias Franken @MatthiasFranken

Why do speakers sometimes follow altered auditory feedback? Check out our new #preprint at @PsyArXiv! dx.doi.org/10.17605/OSF.I…

Opposing and following res…

When talking, speakers contin…

psyarxiv.com

Oct 21, 2017

Denis A. Engemann @dngman

Making replication mainstream!?#preprint #openscience #psychology

Embed View on Twitter

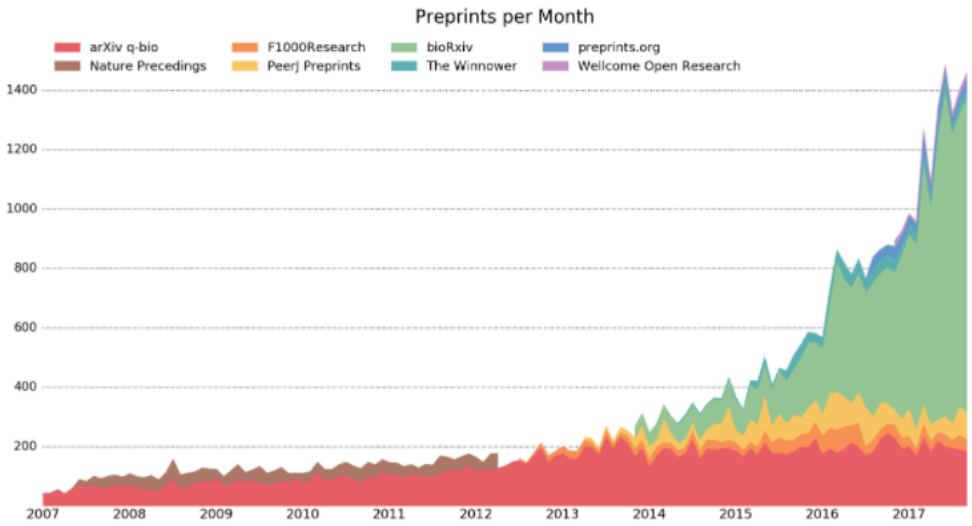
Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

「PrePubmed」によるプレプリント統計
http://www.prepubmed.org/monthly_stats/

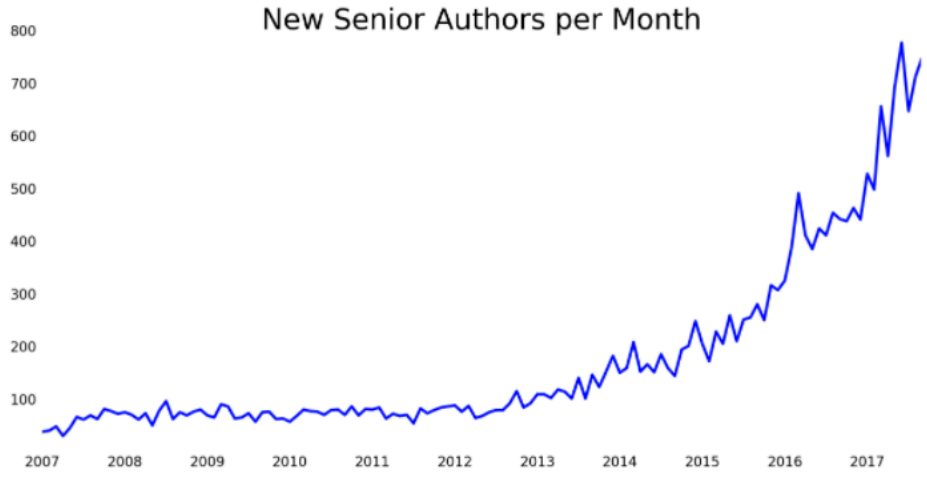
DBCLS
Database Center for Life Science

Monthly Statistics for September 2017

1459 preprints added



753 new senior authors

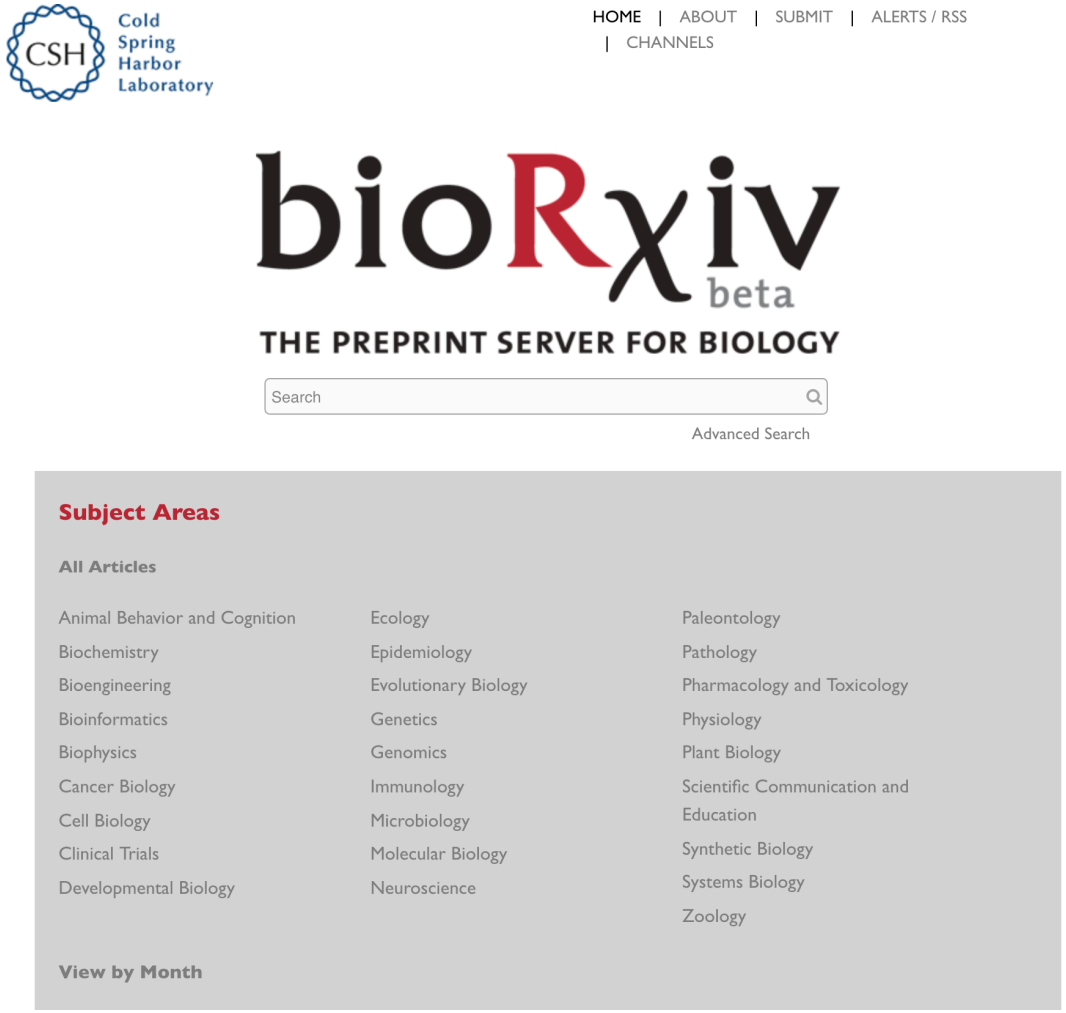


http://www.prepubmed.org/monthly_stats/

Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

生命科学分野のプレプリントサーバ「bioRxiv」
https://www.biorxiv.org/

DBCLS Database Center for Life Science



- 2013年11月にコールド・スプリング・ハーバー研究所が開始
- 投稿は自由だが、体裁などの選別あり
- 査読後に出版される前の研究成果の迅速な流通とフィードバックの活発化が期待されている
- 現在までに16,000報以上の投稿
- 有力な学術誌にそのまま転送して投稿できる機能
- E-mailやRSS、Twitterによるアラートシステム

Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

List of academic journals by preprint policy

https://en.wikipedia.org/wiki/List_of_academic_journals_by_preprint_policy

DBCLS Database Center for Life Science

Individual journals [edit]

Journal	Publisher	Policy type	Policy text	Source
Journal of Biology of the Cell		Likely Incompatible / Unclear	Unclear. When submitting a manuscript to BoC it is understood that the data have been neither published nor also submitted for publication elsewhere in any language (excluding abstracts for conferences of less than one page and without illustrations)	[64]
New England Journal of Medicine		Incompatible	NEJM expects that the articles it publishes will not have been published or released elsewhere before they are published in NEJM. The policy page does not explicitly mention preprints; however, the journal has come under public scrutiny.	[1][2]
Bioessays	Wiley	Incompatible	Based on personal communication with editorial staff, deposition on preprint servers is considered prior publication.	[83]
Journal of Clinical Investigation	ASCI[89]	Incompatible	The JCI considers the following to be prior publication and therefore unacceptable: • any printed or online material describing the findings, methods, or results of a submitted/in-press manuscript in excess of 400 words; • any published tables or illustrations that in any way duplicate the content of another manuscript; • any posters shown other than at a professional meeting and leaflets distributed other than to a professional audience (...)	[90]
Molecular Biotechnology	Springer	Incompatible	Based on personal e-mail communication with Publisher on 2016/12/19. Relevant quote from communication: "No is not compatible (if submitted in BioRxiv) we only publish original articles."	
FASEB Journal	FASEB	Compatible¦Compatible	FASEB permits the submission of preprint manuscripts, which will undergo the same review process as "non-preprint" manuscripts. Preprint submissions must meet the following criteria and conditions [...]	[3]
The BMJ (formerly British Medical Journal)	BMJ Publishing Group Ltd	Compatible	Preprint ("Original manuscript submitted to BMJ.") can be posted.	[39]
Science	AAAS	Compatible	*Science* will not consider any original research paper or component of a research paper that has been published or is under consideration for publication elsewhere. Distribution on the Internet may be considered prior publication and may compromise the originality of the paper as a submission to *Science*, although we do allow posting of research papers on not-for-profit preprint servers such as arxiv.org and bioRxiv. Please contact the editors with questions regarding allowable postings to other servers.	[40]
PNAS	NAS	Compatible	Posting to Preprint Servers, such as arXiv or bioRxiv, is permitted. See the PNAS statement on prior publication for details, and see section vii for media embargo policies.	[4]

Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

お花見メタゲノム論文 in bioRxiv
https://www.biorxiv.org/content/early/2017/07/19/165522

DBCLS Database Center for Life Science

Cold Spring Harbor Laboratory

bioRxiv beta
THE PREPRINT SERVER FOR BIOLOGY

HOME | ABOUT | SUBMIT | ALERTS / RSS | CHANNELS

Search

Advanced Search

New Results

Previous

Collaborative environmental DNA sampling from petal surfaces of flowering cherry Cerasus × yedoensis 'Somei-yoshino' across the Japanese archipelago

Tazro Ohta, Takeshi Kawashima, Natsuko O. Shinozaki, Akito Dobashi, Satoshi Hiraoka, Tatsuhiko Hoshino, Keiichi Kanno, Takafumi Kataoka, Shuichi Kawashima, Motomu Matsui, Wataru Nemoto, Suguru Nishijima, Natsuki Suganuma, Haruo Suzuki, Y-h. Taguchi, Yoichi Takenaka, Yosuke Tanigawa, Momoka Tsuneyoshi, Kazutoshi Yoshitake, Yukuto Sato, Riu Yamashita, Kazuharu Arakawa, Wataru Iwasaki

doi: https://doi.org/10.1101/165522

Posted July 19, 2017.

Download PDF Share
Email Citation Tools

Tweet いいね！ 0 G+

Subject Area

Microbiology

https://www.biorxiv.org/content/early/2017/07/19/165522

Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

bioRxiv への評価



ゲノムのほうの愛ちゃん
@dritoshi

フォロー中

bioRxiv に preprint を置いたおかげで、世界中から反響が届いて、acceptされていないのに、国際共同研究がスタートしたり、有名どころで、すでに試してくれているところがあったりして、楽しいな。

20:11 - 2017年10月5日

18件のリツイート **59**件のいいね



18 59

https://twitter.com/dritoshi/status/915897232020316160



ucchy【いきもにあ両日】
@ucchy_v3

フォローする

Nature Plantsの某記事が読めねぇ💢と思ってたら、bioRxivにPDFが上がってた。ありがたやありがたや。

10:26 - 2017年10月12日

3件のいいね



3

https://twitter.com/ucchy_v3/status/918286821234061312

Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

プレプリントのメリット、デメリット

DBCLS
Database Center for Life Science

- 即時性
- オープンアクセス
- アイデア・発見の先取権
- SNSによる注目
- 幅広いフィードバック
- 新奇性の無いデータの発表

- 不正確な研究成果の乱立
- アイデアの盗用
- 権威(?)がない

Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)

プレプリントを活用してオープンライフサイエンスを

DBCLS
Database Center
for Life Science

仮説構築 から

実験、データ解析、

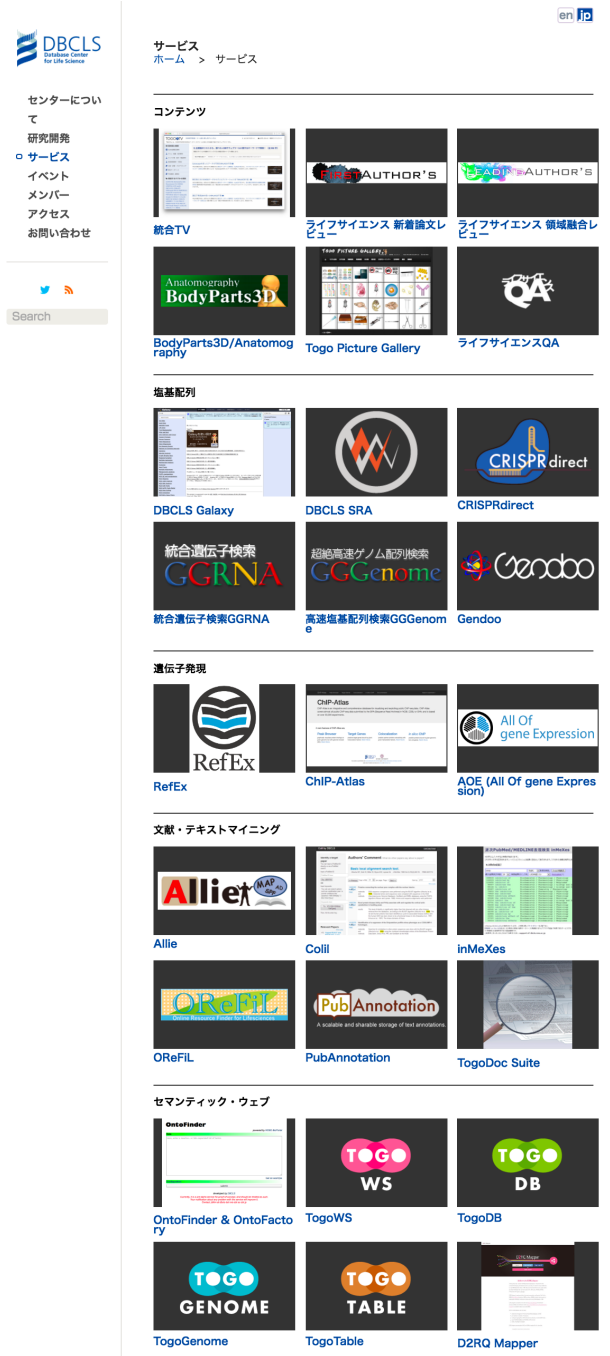
論文執筆 まで

研究者の暮らしをささえる

DBCLS
Database Center
for Life Science

の 提供 で お送りしました

http://dbcls.rois.ac.jp/



Licensed under CC-BY 4.0 © 2017 Hiromasa Ono (DBCLS)